Fuselli S, Gilman RH, Chanock SJ, Bonatto SL, De Stefano G, Evans CA, Labuda D, Luiselli D, Salzano FM, Soto G, Vallejo G, Sajantila A, Pettener D, Tarazona-Santos E.  
El análisis de la diversidad de nucleótidos de la región de codificación NAT2 revela homogeneidad entre las poblaciones nativas americanas y una alta diversidad intrapoblacional.  
Pharmacogenomics Journal 2007;7(2):144-52. doi: 10.1038/sj.tpj.6500407.  
Open access: <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/16847467>

**Resumen**

La N-acetiltransferasa 2 (NAT2), una enzima importante en farmacología clínica, metaboliza antibióticos como la isoniazida y el sulfametoxazol, y cataliza la transformación de aminas aromáticas y heterocíclicas del medio ambiente y la dieta en intermedios cancerígenos. Los polimorfismos en NAT2 explican la variabilidad en el fenotipo acetilador y la farmacocinética de los fármacos metabolizados. Los nativos americanos, asentados en áreas rurales y grandes ciudades de América Latina, están subrepresentados en los estudios de farmacogenética; por lo tanto, secuenciamos la región codificante de NAT2 en 456 cromosomas de 13 poblaciones de las Américas y dos de Siberia, detectando nueve sustituciones y 11 haplotipos. Las variantes \* 4 (37%), \* 5B (23%) y \* 7B (24%) mostraron frecuencias altas. Las frecuencias promedio de acetiladores rápidos, intermedios y lentos en los nativos americanos fueron 18, 56 y 25%, respectivamente. La diversidad genética intrapoblacional de NAT2 para los nativos americanos es más alta que la de los asiáticos orientales y es similar al resto del mundo, y las variantes de NAT2 se distribuyen homogéneamente entre las poblaciones nativas del continente.